



AATGCGTTTTTCNATCGGTAAATTGAAGATGTTAGAATAAATAAAATTATT
TTACGCAAAAGNTAGCCATTTAACTTCTACAATCTTATTTTATTTTAAATAA
N A ? S I G K L K M L E . I K L F
M R ? ? S V N . R C . N K . N Y
? C V F ? R . I E D V R I N K I I
TATTTTTTATAATTATAAATATTTTAAATATATTTTTTAAATCTTAAAGATC
ATAAAAAATATTAATATTTTATAAAAATTATATAAAAAAATTAGAATTTCTAG
I F F Y N Y K Y F N I F F N L K D
L F F I I I N I L I Y F L I L K I
Y F L . L . I F . Y I F . S . R S
CTAAAAAATCTNATTATAAGGATTTTATATATGGATTGGGATACTAANAA
GATTTTTTTAGANTAATATTCCTAAAATATATACCTAACCTATGATTNTT
P K K S ? Y K D F I Y G L G Y . ?
L K N L I I R I L Y M D W D T ? K
. K I ? L . G F Y I W I G I L ?
BamHI
AANTTNATTATNAAAATTAATATACTTTTTAATCTTAAGGATCCTAAAAAA
TTNAANTAATANTTTTAAATTATATGAAAATTAGAATTCCTAGGATTTTTT
? ? I ? K I N I L L I L R I L K K
? ? L ? K L I Y F . S . G S . K
K ? ? Y ? N . Y T F N L K D P K K
ACATAATTATAAGGATTTTCTATATGGATNGGGATACTAACAANATNTAA
TGTATTAATATTCCTAAAAGATATACCTANCCCTATGATTGTTNTANATT
H N Y K D F L Y G ? G Y . Q ? ?
N I I I R I F Y M D ? D T N ? ?
T . L . G F S I W ? G I L T ? ? N
TTGTAAAAATTTNAATATAAAATTGTTAAATCTAAAAATTTAAATACTAA
AACATTTTTTAAANTTATATTTTAAACAATTTAGATTTTTTAATTTTATGATT
I V K I ? I . N C . I . K L K Y .
L . K F ? Y K I V K S K N . N T K
C K N ? N I K L L N L K I K I L

FIG. 16I-1



AAATATATANTAATCATGATATCGAGAATGTGGCGCTTAGATCTCGAGAT
TTTATATATNATTAGTACTATAGCTCTTACACCGCGAATCTAGAGCTCTA
K Y I ? I M I S R M W R L D L E I
N I ? S Y R E C G A I S R
K I Y ? N H D I E N V A L R S R D
CGAGGTTGAGACTANAGNGGAAATTATGTTAATCATGGGAAATTTTCTTT
GCTCCAACCTCTGATNTCNCCTTTAATACAATTAGTACCCTTTAAAAGAAA
E V E T ? ? E I M L I M G N F L
S R L R L ? ? K L C S W E I F F
R G D ? ? G N Y V N H G K F S F
TGTTTCCAAGACGATGACCGTGGAAACCTAACATCCGCAATCGGTCATGC
ACAAAGGTTCTGCTACTGGCACCTTTGGATTGTAGGCGTTAGCCAGTACG
L F P R R P W K P N I R N R S C
C F Q D D D R G N L T S A I G H A
V S K T M T V E T H P Q S V M
AATAACCATGTTATCATCANTGAACTTGTCGTCGTCATCTTACGGCCACA
TTATTGGTACAATAGTAGTNACTTGAACAGCAGCAGTAGAATGCCGGTGT
N N H V I I ? E L V V V I L R P Q
I T M L S S ? N L S S S S Y G H
Q P C Y H ? T C R R H L T A T
AATCACAGTCTTCTANCAAGGCACGAATATTAATGAGTCCAAGCTAGTAT
TTAGTGTCAGAAGATNGTTCGCTGCTTATAATTACTCAGGTTTCGATCATA
I T V F ? Q G T N I N E S N V V
K S Q S S ? K A R I L M S P T Y
N H S L L ? R H E Y V Q R S I
CTATATTGTTTTACATTTTATACCGTANTCGAGGTGTTTCGCACGATTTTG
GATATAACAAAATGTAAAATATGGCATNAGCTCCACAAGCGTGCTAAAAC
S I L F Y T F I P ? S R C S H D L
L Y C F T L L Y R ? R G V R T I W
Y I V L H F Y T V ? E V F A R F

FIG. 16I-2



GCCCATCCCAAGTGCATAAGATCATTGATATGACCTCTACGTTGGAGCGT
CGGGTAGGGTTACAGTATTCTAGTAACTATACTGGAGATGCAAGCTCGCA
A H P K C I R S L I . P L R W S V
P I P S A . D H . Y D L Y V G A
G P S Q V H K I I D M T S T L E R
| Bgl II
GTAAACCCGAGATCTAGTTGAGGGGGCATAGGTCTCATTTNTCTACGTGG
CAATTGGGCTCTAGATCAACTCCCCCGTATCCAGAGTAAANGGATGCACC
L T R D L V E G A . V S F ? Y V
C . P E I . L R G H R S H ? S T W
V N P R S S . G G I G L I ? L R G
AGGTTAAAGATCACCTTTATTNCANCCCTTGTAGATTCTAAACTNGAGGT
TCCAATTTCTAGTGGAAATAANGTNGGGAACATCTAAGATTTGANCTCCA
E V K D H L Y ? ? P C R F . T ? G
R L K I T F I ? ? L V D S K L E V
G . R S P L ? ? P L . I L N ? R
NGATCTCTNTAGGAGATCGGTCTCCCTTGGAACCTCTNTAGGGGTNCC
NCTAGAGANATCCTCTAGCCAGAGGGAACCTTGAGANATCCCCANGG 739
? S L . E I G L P W N S ? G V P
D L ? R R S V S L G T L . G ?
? I S ? G D R S P L E L ? R G ?

FIG. 16I-3